© David Goodsell

2 Octobre 2017
Première Journée Biologie Structurale à l'UPMC
Amphi Durand (Bâtiment Esclangon)

9h00-9h10- Introduction de la journée. Vincent Maréchal, directeur de la faculté de biologie.

9h10-9h40
Les révolutions tranquilles de la biologie structurale : 1957-2017. Michel Morange (République des savoirs, ENS)

9h40-10h10
Contribution de la biologie structurale à la caractérisation des cibles antibiotiques. Matthieu Fonvielle (UMRS 872)

10h10-10h40
Application de la cristallographie à l'étude de machines moléculaires. Philippe Meyer (UMR 8226)

10h40-11h00 Pause café

11h00-11h30
Apport de la RMN pour l'étude du mode d'action de protéines. L'exemple d'Engrailed. Olivier Lequin (Laboratoire des biomolécules, UMR 7203)

11h30-12h00
Méthodes spectroscopiques pour la caractérisation structurale et fonctionnelle de peptides lasso. Séverine Zirah (Molécules de Communication et Adaptation des Microorganisme, UMR 7245)

Pause déjeuner et séance de posters

13h30-14h00
Modélisation des interactions protéine protéine à large échelle Elodie Laine (UMR 7238, LCQB)

14h00-14h30
Structure, fonction et dynamique des protéines Isabelle Callebaut (UMR 7590, IMPMC)

14h30-15h00 Pause café

15h00- 15h30
Trois ateliers sont proposés en parallèle

Table ronde	**Animateurs**	**Lieu**
Plateforme Imagerie et Spectrométrie de masse	Catherine Vénien-Bryan, Basile Gurchenkov	Sous-sol
Plateforme modélisation moléculaire	Pierre Tufféry, Jacques Chomilier	Amphi Durand
Plateforme résolution de structure : cristallo & RMN	Julien Henri, Olivier Lequin	Sous-sol

15h30- 16h10
Atelier enseignement, animé par Chahrazade El Amri, Elodie Duprat, Elodie Laine et Jean Cognet

16h10-16h40 Restitution des ateliers et conclusion par les modérateurs des tables rondes
Constitution d'un comité d'organisation pour le réseau biologie structurale